Vol. 30 No. 2 Apr. 2015

DOI:10.13364/j.issn.1672-6510.20140060

转化左旋乙基甾烯双酮的微生物筛选及转化产物研究

李宴清,毛淑红,于 璥,刘晓光,路福平(工业发酵微生物教育部重点实验室,天津科技大学生物工程学院,天津 300457)

摘 要: 为了满足甾体药物日益增长的市场需求,从南方采集的新鲜树皮中筛选出具有转化新型甾体化合物左旋乙基甾烯双酮活力的微生物米根霉. 利用该菌对左旋乙基甾烯双酮进行生物催化,转化产物经纯化、重结晶后,通过单晶衍射鉴定为 6β —羟基— 13β —乙基—4—烯—3,17—二酮和 10β —羟基— 13β —乙基—4—烯—3,17—二酮。通过高效液相色谱对转化过程中的甾体化合物进行分析,发现转化 24h 后,底物左旋乙基甾烯双酮、 6β —羟基化产物和 10β —羟基化产物的含量分别为 28.4%、32.2%和 35.7%.

关键词: 左旋乙基甾烯双酮; 米根霉; 生物催化

中图分类号: Q93 文献标志码: A 文章编号: 1672-6510(2015)02-0016-05

Screening Strains for 13 β -ethyl-4-gonene-3, 17-dione Biotransformation and the Characterization of the Products

LI Yanqing, MAO Shuhong, YU Lu, LIU Xiaoguang, LU Fuping
(Key Laboratory of Industrial Fermentation Microbiology, Ministry of Education, College of Biotechnology,
Tianjin University of Science & Technology, Tianjin 300457, China)

Abstract: To meet the market demand for steroidal drugs, a filamentous fungus, *Rhizopus oryzae* with novel 13 β -ethyl-4-gonene-3, 17-dione transformation ability was screened from the fresh bark of south China. The biotransformation efficiency of 13 β -ethyl-4-gonene-3, 17-dione by this strain was studied. The transformation products were purified, recrystallized and determined by the single crystal X-ray diffraction as 6 α -hydroxy-13 β -ethyl-4-gonene-3, 17-dione and 10 β -hydroxy-13 β -ethyl-4-gonene-3, 17-dione. The biotransformation process monitored by HPLC revealed that after 24 h fermentation, the products of substrates 13 β -ethyl-4-gonene-3, 17-dione, $C_6\beta$ and $C_{10}\beta$ were 28.4%, 32.2% and 35.7% respectively.

Key words: 13 β -ethyl-4-gonene-3, 17-dione; *Rhizopus oryzae*; biotransform

甾体药物在临床上具有极其重要的医药价值,通常在免疫调节、皮肤疾病治疗及生育控制方面有较好的作用^[1]. 甾体化合物经过化学或生物法修饰以后其药理学活性会增强,微生物转化能够得到化学法难以合成的甾体衍生物^[2],因此在甾体药物的生产中发挥着极其重要的作用.

目前,已报道的具有甾体药物生物转化活性的微生物多达 1500 种,其中真菌包括根霉属^[3-5]、曲霉属^[6-7]和青霉属^[8-11]等,但只有少数几个微生物成功应用到甾体药物的工业生产中^[12-13].而且,现在已知的 5000 多种具有潜在价值的甾体化合物中已投放

市场的并不多,随着甾体药物的应用范围逐渐扩大, 具有甾体生物催化功能的新型微生物的分离和筛选 成为近年来甾体药物领域的研究热点^[14-15].

左旋乙基甾烯双酮是合成孕激素类药物的重要中间体. 关于该化合物的微生物转化的研究已有一些相关报道^[16-19], 反应类型主要包括 11 α -羟基化反应、15 α -羟基化反应以及 17 β , 15 α -羟基化反应,所得产物分别为合成高效口服避孕药地索高诺酮、 \triangle^{15} -D-18-甲基炔诺酮以及孕二烯酮的重要中间体.

为获得具有潜在药学价值的新型甾体化合物,本 文以左旋乙基甾烯双酮(13 β-乙基-4-烯-3,17-二 酮)为底物,对实验中所分离的霉菌菌株进行生物转化的筛选,并对优势菌株的转化产物进行了分离纯化和结构鉴定.

1 材料与方法

1.1 菌种分离样品

气候湿润的南方地区采集的新鲜树木(银杉、银杏树、桂花树、松树、柳树、樟树、桑树、柑橘树、榕树、棕榈等)的树皮.

1.2 培养基

平板及斜面培养基(PDA): 马铃薯 200 g、葡萄糖 20 g、琼脂 15~20 g、自来水 1 L, pH 自然.

发酵培养基: 葡萄糖 20g、蛋白胨 20g、酵母膏 5g、自来水 1L, pH 5.0.

1.3 霉菌菌株分离与纯化

将新鲜树皮剪成小片,置于 PDA 平板培养基, 28 ℃培养箱倒置培养. 待树皮切片周围处长出菌丝 后,挑取菌落尖端部分的菌丝移至新鲜的 PDA 培养 基平板上,28 ℃条件下培养,如此反复纯化直至得到 纯化菌株,挑取培养皿内的霉菌菌落接种于斜面培养 基上,于4 ℃冰箱冷藏备用.

1.4 培养与转化方法

将斜面种子用无菌水配制成孢子悬浮液 (10⁸ mL⁻¹),按 4%接种量接入装有 50 mL 发酵培养基的 250 mL 三角瓶中,28 ℃、180 r/min 条件下振荡培养 24 h 后,加入预先用乙醇溶解的底物(最终底物质量浓度为 1 g/L),继续在相同培养条件下生物转化 24 h.

1.5 转化结果分析方法

左旋乙基甾烯双酮微生物转化结果的检测采用 TLC 法. 取 0.6 mL 发酵液于 1.5 mL EP 管中,加入等体积乙酸乙酯剧烈振荡抽提 2 min,静置,取上层有机相点样于 TLC 板上,展开剂为 V(石油醚):V(乙酸乙酯)=1:1,紫外分析仪 254 nm 波长下观察底物转化情况.

1.6 18S rDNA 基因测序与同源性分析

采用真菌基因组 DNA 提取试剂盒提取 DNA, 经 PCR 扩增和琼脂糖凝胶电泳得到目的条带,PCR 产物用回收试剂盒回收纯化,委托北京六合华大基因 科技股份有限公司进行测序.

18S rDNA 序列结果采用 BLAST 分析,找出与 待测菌株同源性最高的已知分类菌种,鉴定其种属.

1.7 转化产物分离提取与鉴定

依照 1.4 所述的方法进行米根霉菌体培养和底物转化,转化 24 h 后合并所有 3 L 发酵液,用等体积乙酸乙酯萃取,旋蒸浓缩后,浓缩液经硅胶柱层析分离得到产物,产物通过结晶和重结晶得到产物单晶.

产物鉴定采用单晶衍射法. 单晶 X 射线衍射使用 Bruker Apex II CCD 衍射仪,以 Mo Kα 辐射(λ = 0.07 nm)作为衍射光源,采用 SMART 程序在 293 K 条件下扫描收集单晶衍射数据. 运用 SAINT 程序还原数据和 SADABS 程序进行经验吸收矫正. 结构采用 SHELXTL 程序用直接法解出,并基于 F2 用全矩阵最小二乘法对结构进行精修. 非氢原子采用各向异性热参数精修. 所有氢原子均为理论加氢并采用各向同性热参数及跨式模型进行修正.

1.8 转化率的测定方法

转化率的测定采用高效液相色谱 (HPLC) 法. 色谱条件: 采用 C18 柱 (4.6 mm × 250 mm, 5 μ m), 流动相为 V(乙腈): V(水) = 70: 30 的混合溶液, 流量 0.8 mL/min, 进样量 10 μ L, 柱温 25 $^{\circ}$ C; UV 240 nm 检测.

2 结果与讨论

2.1 具有高效甾体转化能力菌株的筛选

用所筛选的霉菌对左旋乙基甾烯双酮进行甾体 微生物转化实验,得到了一株转化能力强且底物特异 性好的菌株 5#,转化结果如图 1 所示,该菌催化左旋 乙基甾烯双酮生成两个产物.



1. 左旋乙基甾烯双酮标准品;2. 转化产物

图 1 TLC 法分析 5#菌株转化左旋乙基甾烯双酮的产物 Fig. 1 TLC analysis of transformation products by strain 5#

2.2 转化产物的鉴定

通过单晶衍射鉴定该菌转化左旋乙基甾烯双酮 (1)的产物分别为 6 β -羟基-13 β -乙基-4-烯-3,17-二酮 (2)和 10 β -羟基-13 β -乙基-4-烯-3,17-二酮 (3). 米根霉生物催化左旋乙基甾烯双酮羟基化的反

应式如图 2 所示.

图 2 13β-乙基-4-烯-3,17-二酮的羟基化反应 Fig. 2 Hydroxylation of 13β-ethyl-4-gonene-3,17-dione by strain 5#

6 β—羟基—13 β—乙基—4—烯—3,17—二酮的晶体结构如图 3 所示. 晶体数据: 分子式 C_{19} H_{26} O_{3} ,相对分子质量 302.40,晶体尺寸 0.18 mm × 0.17 mm × 0.16 mm,属正交晶系,空间群为 P2(1)2(1)2(1). 晶胞参数 a=0.97 nm,b=1.23 nm,c=1.35 nm, $\alpha=90^{\circ}$, $\beta=90^{\circ}$, $\gamma=90^{\circ}$,晶胞体积 V=1.61 nm³,晶胞内分子数 Z=4,晶体计算密度 $D_{calcd}=1.247$ mg/m³. 测量温度 173 (2) K,吸收系数 0.083 mm⁻¹,共收集到独立衍射点 2839 个,结构偏离因子 R1=0.038 2,wR2=0.093 2;R1=0.040 3,wR2=0.094 8.

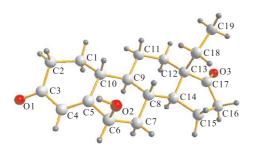


图 3 6β -羟基 -13β -乙基-4-烯-3,17-二酮的晶体结构 Fig. 3 Crystal structure of 6β -hydroxy- 13β -ethyl-4-gonene-3,17-dione

10 β-羟基-13 β-乙基-4-烯-3,17-二酮的晶体结构如图 4 所示.

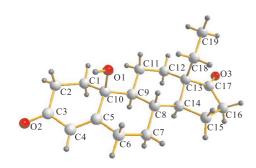


图 4 10β-羟基-13β-乙基-4-烯-3,17-二酮的晶体 结构

Fig. 4 Crystal structure of 10β -hydroxy- 13β -ethyl-4-gonene-3, 17-dione

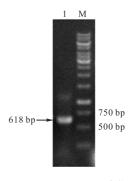
晶体数据: 分子式 C_{19} H_{26} O_3 , 相对分子质量 302.40, 晶体尺寸 0.18 mm×0.14 mm×0.12 mm, 属

正交晶系,空间群为 P2(1)2(1)2(1). 晶胞参数 a=0.73 nm, b=0.98 nm, c=2.30 nm, $\alpha=90^\circ$, $\beta=90^\circ$, $\gamma=90^\circ$, 晶胞体积 V=1.65 nm³, 晶胞内分子数 Z=4, 晶体计算密度 $D_{\rm calcd}=1.216$ mg/m³. 测量温度 173(2)K, 吸收系数 0.080 mm⁻¹, 共收集到独立衍射点 2.881 个,结构偏离因子 R1 = 0.0364, wR2 = 0.0841; R1 = 0.0397, wR2 = 0.0863.

化合物 6β -羟基- 13β -乙基-4-烯-3, 17-二酮 (2)和 10β -羟基- 13β -乙基-4-烯-3, 17-二酮 (3)均 为已知化合物 (20), 周维善等 (21)1利用黑根霉在左旋乙基甾烯双酮的 (21)1、(21)1、(21)2、(21)3、(21)3、(21)4、(21)3、(21)4、(21)3、(21)4、(21)4、(21)5、(21)6、(21)6、(21)7、(21)7、(21)8、(21)9 (21)9 (21)

2.3 菌株分子生物学鉴定

依照 1.6 所述的方法,将提取到的 5#菌株的 DNA 片段经过 PCR 扩增后进行琼脂糖凝胶电泳,结果如图 5 所示.



M. Marker; 1. PCR 产物

图 5 菌株 5#的 18S rDNA PCR 扩增结果得到 618 bp 片段 Fig. 5 618 bp DNA fragment amplified by PCR from 18S rDNA of strain 5#

根霉菌 5#的 18S rDNA 序列测序结果显示如下: TGCGGAAGGGGATCATTAATTATGTTAAAGCGCC TTACCTTAGGGTTTCCTCTGGGGTAAGTGATTGC TTCTACACTGTGAAAATTTGGCTGAGAGACTCA GACTGGTCATGGGTAGACCTATCTGGGGTTTGAT CGATGCCACTCCTGGTTTCAGGAGTACCCTTCAT AATAAACCTAGAAATTCAGTATTATAAAGTTTAAT AAAAAACAACTTTTAACAATGGATCTCTTGGTT CTCGCATCGATGAAGAACGTAGTAGCAAAGTGC GATAACTAGTGTGAATTGCATTCAGTGAATCGAG TCTTTGAACGCAGCTTGCACTCTATGGTTTTTCT ATAGAGTACGCCTGCTTCAGTATCATCACAAACC CACACATAACATTTGTTTATGTGGTGATGGGTCG CATCGCTGTTTTATTATTACAGTGAGCACCTAAA ATGTGTGTGATTTTCTGTCTGGCTTGCTAGGCAG GAATATTACGCTGGTCCTCAGGATCTTTTTTTT GGTTCGCCCAGGAAGTAAAGTACAAGAGTATAA TCCAGTAACTTTCAAACTATTGATCTGAAGTCAG GTGGGATTACCCGCTGAACTTAAGCATATCAATA AGCGGAGGA

将根霉菌 5#的 18S rDNA 片段在 GenBank 中进行 BLAST 比对,发现该根霉菌株与米根霉(*Rhizopus orvzae*)的同源性为 100%,证实该菌为米根霉

2.4 转化过程分析

米根霉转化左旋乙基甾烯双酮经过 24 h 得到两个产物 2 和 3,其高效液相图如图 6 所示.根据所鉴定的转化产物的液相图可知:液相 3 个主峰 A、B、C 分别为产物 2、3 和底物 1,出峰时间分别为 3.626、3.972、6.745 min.

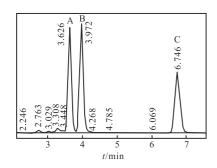


图 6 米根霉转化左旋乙基甾烯双酮的高效液相色谱 分析

Fig. 6 HPLC chromatogram of transformation products of 13 β -ethyl-4-gonene-3, 17-dione by R. oryzae

转化过程中的反应物及产物的质量分数见表 1. 转化 6 h 后发酵液中即可检测到产物 2,其质量分数 在 12 h 后达到了 16.2%,经过 24 h 产率达到 32.2%,之后浓度不再增加;产物 3 在转化经过 7 h 后开始产生,且产物量一直增加,最终达 35.7%.转化达到 24 h 以后产物浓度不再随着时间增加.

表 1 转化过程中的反应物及产物的质量分数
Tab. 1 Composition of crude mixtures obtained in transformation by *R. orvzae*

Torination by R. Orygue				
物质编号	质量分数/%			
	6 h	12 h	18 h	24 h
1	97.1	64.3	38.5	28.4
2	2.3	16.2	28.6	32.2
3	_	17.4	30.4	35.7

米根霉对于甾体化合物如 17β —羟基雄甾—4—烯—3—酮^[22]及环氧黄体酮^[23]等具有 1β 、6 β 、7 α 、11 α 羟基化能力,本实验所筛选的米根霉对左旋乙基甾烯双酮的转化结果表明具有 6β 、10 β 羟基化能力,且所获得的左旋乙基甾烯双酮羟基化产率比周维善等^[21]的报道有明显提高.

3 结 语

本实验发现米根霉对左旋乙基甾烯双酮具有特异性的羟基化生物催化活性,所获得的转化产物 6 β -羟基—13 β -乙基—4—烯—3,17—二酮和 10 β -羟基—13 β -乙基—4—烯—3,17—二酮为甾体药物工业新药的研发提供了一条新途径;但对于 6 β -羟基—13 β -乙基—4—烯—3,17—二酮的药理活性目前尚不清楚,后期将进行相关研究.

参考文献:

- [1] Bhatti H N, Khera R A. Biological transformations of steroidal compounds: A review[J]. Steroids, 2012, 77(12):1267–1290.
- [2] 李会,张明杰,张晓梅,等. 三羟基雄甾烯酮高转化菌株的选育及工艺优化[J]. 生物工程学报,2013,29(11);1687-1691.
- [3] Zhou H L, Lu WY, Wen J P, et al. Kinetic analysis of 11 α-hydroxylation of steroids by *Rhizopus nigricans* [J]. Journal of Molecular Catalysis B: Enzymatic, 2009, 56 (2/3):136–141.
- [4] 茅燕勇,沈珈琦,范伟平. 葡枝根霉 NG0305 酶催化甾体 $C_{11}\alpha$ -羟基化的研究[J]. 生物加工过程,2004,2(2):46-51.
- [5] Martin G D A. Biotransformation reactions by *Rhizopus* spp. [J]. Current Organic Chemistry, 2010, 14(1): 1–14.
- [6] Mao S H, Hua B Y, Wang N, et al. 11 α-hydroxylation of 16 α, 17-epoxyprogesterone in biphasic ionic liquid/ water system by *Aspergillus ochraceus* [J]. Journal of Chemical Technology and Biotechnology, 2013, 88 (2): 287–292.
- [7] Hunter A C, Carragher N E. Flexibility of the endogenous progesterone lactonisation pathway in *Aspergillus tamarii* KITA: Transformation of a series of cortical steroid analogues [J]. The Journal of Steroid Biochemistry and Molecular Biology, 2003, 87 (4/5): 301–308.
- [8] Kołek T, Szpineter A, Świzdor A. Baeyer-Villiger oxidation of DHEA, pregnenolone, and androstenedione by *Penicillium lilacinum* AM111[J]. Steroids, 2008, 73 (14):1441–1445.
- [9] 李骏,耿旭,翁亮,等. Penicillium raistrickii 15 α 羟基 化左旋乙基甾烯双酮工艺研究[J]. 微生物学通报,

- 2005, 32(5):87-91.
- [10] Gao J M, Shen J W, Wang J Y, et al. Microbial transformation of 3 β-acetoxypregna-5, 16-diene-20-one by *Penicillium citrinum* [J]. Steroids, 2011, 76 (1/2): 43–47.
- [11] Bartmańska A, Dmochowska-Gładysz J, Huszcza E. Steroids' transformations in *Penicillium notatum* culture [J]. Steroids, 2005, 70(3):193–198.
- [12] Faramarzi M A, Aghelnejad M, Tabatabaei Yazdia M, et al. Metabolism of androst-4-en-3, 17-dione by the filamentous fungus *Neurospora crassa*[J]. Steroids, 2008, 73(1):13-18.
- [13] Faramarzi MA, Badiee M, Tabatabaei Yazdia M, et al. Formation of hydroxysteroid derivatives from androst-4-en-3, 17-dione by the filamentous fungus *Mucor racemosus* [J]. Journal of Molecular Catalysis B: Enzymatic, 2008, 50(1):7–12.
- [14] Fernandes P, Cruz A, Angelova B, et al. Microbial conversion of steroid compounds: Recent developments [J].

 Enzyme and Microbial Technology, 2003, 32(6): 688-705.
- [15] Huang L H, Li J, Xu G, et al. Biotransformation of dehydroepiandrosterone (DHEA) with *Penicillium griseopur-pureum* Smith and *Penicillium glabrum* (Wehmer) Westling [J]. Steroids, 2010, 75 (13/14): 1039–1046.
- [16] Yang J, Yang S K, Yang Y L, et al. Microbial hydroxylation of 16 α , 17 α -dimethyl-17 β -(l-oxopropyl) and rostal, 4-dien-3-one to rimexolone by *Curvularia lunata* AS 3.

- 4381 [J]. Journal of Molecular Catalysis B: Enzymatic, 2007, 47(3):155–158.
- [17] Donova M V, Egorova O V, Nikolayeva V M. Steroid 17 β-reduction by microorganisms: A review [J]. Process Biochemistry, 2005, 40 (7): 2253–2262.
- [18] Romano A, Romano D, Ragg E, et al. Steroid hydroxylations with *Botryodiplodia malorum* and *Colletotrichum lini* [J]. Steroids, 2006, 71 (6): 429–434.
- [19] Andrushina V A, Druzhinina A V, Yaderets V V, et al. Hydroxylation of steroids by *Curvularia lunata* mycelium in the presence of methyl-β-cyclodextrine[J]. Applied Biochemistry and Microbiology, 2011, 47 (1): 42–48.
- [20] Jekkel A, Ilkőy É, Horváth G, et al. Microbial hydroxylation of 13 β-ethyl-4-gonene-3, 17-dione[J]. Journal of Molecular Catalysis B: Enzymatic, 1998, 5 (1/2/3/4): 385–387.
- [21] 周维善, 蔡峰, 沈季铭. 18-甲基腺甾烯酮—类物的酶催化羟化[J]. 化学学报, 2001, 59(4): 604-609.
- [22] Peart P C, Reynolds W F, Reese P B. The facile bioconversion of testosterone by alginate-immobilised filamentous fungi[J]. Journal of Molecular Catalysis B: Enzymatic, 2013, 95 (1): 70–81.
- [23] Petrič Š, Hakki T, Bernhardt R, et al. Discovery of a steroid 11 α-hydroxylase from *Rhizopus oryzae* and its biotechnological application [J]. Journal of Biotechnology, 2010, 150(3):428–437.

责任编辑: 周建军